



De: Dr. Carlos de Torre Minguela. Jefe de la Unidad de Proteómica

A: Investigadores del Servicio Murciano de Salud

Asunto: Difusión de la oferta tecnológica de la Unidad de Proteómica

Estimados compañeros:

La Unidad de Proteómica del Hospital Virgen de la Arrixaca (HUVA) se puso en marcha en Marzo de 2010 tras la adquisición de los equipos instrumentales cofinanciados por la convocatoria de infraestructura IF08/36139: equipos de espectrometría de masas (LC-MS) y de electroforesis bidimensional y análisis del marcaje DIGE. Tras la instalación y puesta a punto de los equipos se ha comenzado la colaboración con diferentes grupos del Hospital para el análisis de muestras complejas de proteínas empleando esta tecnología.

El objetivo de esta carta es ampliar la difusión de la oferta tecnológica de la Unidad de Proteómica para beneficio de los grupos de investigación del Servicio Murciano de Salud (ver anexo adjunto).

Dada la heterogeneidad de las potenciales muestras a analizar, es necesaria la discusión previa con los investigadores del diseño del experimento y de la preparación de las muestras. El análisis de las muestras se realizaría en nuestro laboratorio y la interpretación, discusión y publicación de los resultados científicos en colaboración con los investigadores.

Atentamente,

Carlos de Torre Minguela
Jefe de la Unidad de Proteómica
Hospital Universitario Virgen de la Arrixaca
Telf.: 968 381288
Email: carlos.detorre@carm.es

UNIDAD DE PROTEOMICA

Electroforesis 1D-SDS-PAGE (geles precast Criterion BioRad)

Precipitación y cuantificación de muestras para 2D-PAGE

Electroforesis bidimensional 2D-PAGE ((tiras 18 cm), Gel SDS PAGE 27 x 21 cm, tinción plata o Coomassie blue, adquisición de imágenes)

Análisis de imágenes (ImageMaster 2D platinum, ImageQuant TL).

Análisis proteómico diferencial mediante 2D-DIGE (marcaje con fluoróforos Cy3 y Cy5. 2D PAGE, adquisición de imágenes.)

Análisis de imágenes (Decyder).

Recuperación del gel de las proteínas de interés y digestión enzimática

Precipitación de muestras (acetona) y digestión enzimática.

Identificación de proteínas mediante LC-MS/MS (LXQ)-spot 2D-PAGE bandas 1D-SDS-PAGE (< 5 proteínas)

Identificación de proteínas mediante LC-MS/MS (LXQ)- muestras líquidas simples (< 5 proteínas)

Adquisición de imágenes mediante el escaner Typhoon 9410

Adquisición de imágenes mediante el escaner Imagescanner III

Para cualquier consulta sobre los servicios de la Unidad de Proteómica dirigirse a:

Carlos de Torre Minguela -

Telf.: 968 381288 -

Email: carlos.detorre@carm.es -